CURSO TALLER
SECUENCIACIÓN MASIVA PARA DETECTAR PREDISPOSICIÓN A CANCER

Informes: ezelada@uns.edu.pe

Conferencia presencial: **"Impacto de la secuenciación Masiva en el Perú: Soluciones en Medicina Humana, aplicadas en NGS"**
Día: 07 de marzo. Hora: 16:00 pm. Lugar: Auditorio N° 01 Biblioteca Central
Vacantes: 50

Taller: teórico – práctico y trabajo en laboratorio presencial
Días: 07 – 08 de marzo. Lugar: Laboratorio de Genética, Fisiología y Reproducción
Vacantes: 06

Revisión de resultados sesión virtual Vía Zoom
Día: 10 de marzo
Hora: 10:00 am
Vacantes: 30

Agenda de trabajo

Sesión teórica | Trabajo en laboratorio | Sesión virtual

Día 1	07 de marzo
10:00	Explicación de la dinámica de trabajo Química de secuenciación de Illumina: Secuenciación por síntesis (SBS) Genómica aplicada a oncología Explicación del protocolo AmpliSeq BRCA
12:00	Almuerzo
14:00	Cuantificación y dilución del ADN Amplificación de las regiones de interés
15:00	BaseSpace y BS Variant Interpreter
16:00	Presentación de Genlab del Perú Impacto de la Secuenciación Masiva en el Perú Soluciones en Medicina humana, aplicadas en NGS

Día 2	08 de marzo
9:00	Digestión parcial de los amplicones
10:00	Ligación de índices
11:00	Purificación de la librería genómica
12:00	Almuerzo
14:00	Purificación de los pools
15:00	Segunda purificación de la librería genómica
16:00	Cuantificación de las librerías genómicas y normalización Dilución y denaturación para cargado en el MiniSeq
16:30	Inicio de la corrida de secuenciación en el MiniSeq (2x151)

Día 3	10 de marzo
10:00	Revisión de métricas de corrida en BaseSpace
10:30	Revisión de resultados en BSVI
11:30	Preguntas y discusión final